

ALLEGATO N. 9

Sommario

ART. 1 - TIPOLOGIA	
ART. 2 - OBIETTIVI FORMATIVI, SBOCCHI PROFESSIONALI E ATTRATTIVITÀ DEL	CORSO1
ART. 3 - ORDINAMENTO DIDATTICO	2
ART. 4 - VALUTAZIONE	4
ART. 5 - PROVA FINALE E CONSEGUIMENTO DEL TITOLO	4
ART. 6 - DOCENTI	4
ART. 7 - REQUISITI DI AMMISSIONE	4
UDITORI	Errore. Il segnalibro non è definito
ART. 8 - MODALITÀ ORGANIZZATIVE	
ART. 8 - SCADENZA PROCEDURA ON-LINE DI ISCRIZIONE AL CORSO	6
ART. 9- TASSE E CONTRIBUTI	Errore. Il segnalibro non è definito
ART. 9 - RISORSE FINANZIARIE	

ART. 1 - TIPOLOGIA

L'Università degli Studi di Pavia attiva per l'a.a. 2019/2020 il Master Universitario **biennale** di **II** livello in **"Genomic Data Science"** presso il Dipartimento di Scienze del Sistema Nervoso e del Comportamento

Edizione: VIII (le vecchie edizioni portano il nome di "Master in Statistica Medica e Genomica")

Area di afferenza: matematica e statistica; medicina; scienze naturali

ART. 2 - OBIETTIVI FORMATIVI, SBOCCHI PROFESSIONALI E ATTRATTIVITÀ DEL CORSO

Il master universitario biennale di Il livello in "Genomic Data Science", precedentemente chiamato "Master in Statistica Medica e Genomica", unisce l'ampia fruibilità ad un avanzato livello professionalizzante. Il master propone concetti e tecniche di base, seguiti dai recenti e complessi sviluppi dei metodi statistici e bioinformatici, prevalentemente in ambito genomico. Il master, unico in Italia, forma figure professionali in grado di gestire e analizzare l'enorme quantità di dati (Big Data) che deriva dall'applicazione delle nuove tecnologie -omics.

Verranno forniti gli strumenti statistici e bioinformatici necessari, per esempio, per studiare la predizione dell'evoluzione della malattia e della risposta farmacologica nei pazienti e la suscettibilità genetica nelle malattie complesse. Gli studenti apprenderanno le più recenti metodologie bioinformatiche per studi Next Generation Sequencing (NGS) e le tecniche più avanzate di machine learning e analisi di Big Data.

Il Master ha l'obiettivo di formare i Data Scientists, figure professionali con competenze multidisciplinari, attualmente molto richiesti sia delle aziende che dagli istituti di ricerca. Specificamente, il Master ha lo scopo di:

- fornire a giovani laureati una formazione post-laurea specialistica e altamente qualificata nel settore della statistica genetica, epidemiologia genetica e molecolare e bioinformatica;
- rispondere alle esigenze di profili professionali richiesti da Centri di Ricerca ed Istituti Universitari, Clinical Research Organization, Osservatori Epidemiologici, Aziende che si occupano di consulenza di statistica genetica e genomica, di genotipizzazione, sequenziamento e microarrays;
- fornire profili professionali adeguati a rispondere ad una esigenza emergente determinata dalla recente e rapidissima evoluzione tecnologica in campo -omics e dall'aumentata diffusione della medicina molecolare sia in ambito accademico che ospedaliero.

La figura professionale formata nel Master può trovare sbocco in:

- Clinical Research Organizations
- Industrie Farmaceutiche
- Aziende che si occupano di Data Analysis
- Centri di Ricerca pubblici, I.R.C.C.S, C.N.R, e Laboratori Universitari
- Centri di Ricerca privati

ART. 3 - ORDINAMENTO DIDATTICO

Il Master di durata biennale (3000 ore totali – **120 CFU**) è articolato in: didattica frontale, esercitazioni pratiche, tirocinio presso l'Università di Pavia, altri enti o aziende private, seminari presso il Dipartimento di Scienze del sistema nervoso e del comportamento, attività di studio e preparazione individuale.

La frequenza da parte degli iscritti alle varie attività formative è obbligatoria per almeno il 75% del monte ore complessivamente previsto.

Il periodo di formazione non può essere sospeso.

Non sono ammessi trasferimenti in Master analoghi presso altre sedi universitarie.

Sono previsti alcuni corsi di allineamento propedeutici e non obbligatori da svolgere al primo anno che hanno l'obiettivo di allineare le competenze di base di epidemiologia e genetica. I corsi di allineamento sono i seguenti:

Epidemiologia	Disegno di studi osservazionali Analisi di studi osservazionali Disegno di studi clinici randomizzati Analisi di studi clinici randomizzati
Genetica	1) Genetica di popolazione 2) Genoma umano, malattie mendeliane e malattie complesse 3) Variabilità genetica nell'uomo 4) Database online

Saranno invitati alcuni esperti internazionali a tenere seminari che svolgeranno i loro interventi in lingua inglese.

I Moduli di insegnamento, per i quali è riferibile l'SSD MED/01, sono così organizzati e verranno tenuti in lingua italiana

I ANNO

Insegnamento/ Modulo	Contenuti	Ore didattica frontale	Ore esercitazioni/ laboratorio	Ore studio individuale	Totale ore	CFU
A1) STATISTICA CON R	 L'ambiente di programmazione R Data import e data mining con R Visualizzazione grafica dei dati con R Inferenza statistica con R 	32	28	40	100	4
B1) Modelli di regressione	 Regressione lineare Regressione logistica Modelli lineari misti Analisi di sopravvivenza 	32	28	40	100	4



C1) METODI DI RICAMPIONAMENTO	 Permutazione e randomizzazione Simulazione Monte Carlo Ricampionamento e bootstrap P-values empirici e FDR 	32	28	40	100	4
D1) EPIDEMIOLOGIA GENETICA	 Disegno di studi sperimentale e studi osservazionali Disegno ed analisi di studi di linkage parametrico e non parametrico Disegno ed analisi di studi di associazione familiare Disegno ed analisi di studi di associazione di popolazione 	32	28	40	100	4
E1) STATISTICA GENETICA	 Disegno e analisi genome-wide(GW) Pre-processing, controllo di qualità, imputazione e analisi statistica GW Analisi GW di dati di metilazione Analisi GW di dati di espressione 	32	28	40	100	4
Totale ore parziale I anno 160 140 200				200	500	20
Tirocinio-Stage I anno				1000	40	
Totale ore/CFU					1500	60

II ANNO

Insegnamento/ Modulo	Contenuti	Ore didattica frontale	Ore esercitazioni/ Iaboratorio	Ore studio individuale	Totale ore	CFU
A2) GESTIONE E ANALISI DI BIG DATA	 Ambiente di lavoro Cloud e calcolo parallelo Tools di lavoro (Databases SQL e NoSQL) Esplorazione delle librerie di Python Casi di studio 	32	28	40	100	4
B2) BIOINFORMATICA APPLICATA ALLA GENETICA	 Next generation sequencing (NGS) DNA sequencing and variant calling Metodi per analisi di associazione con varianti rare RNA sequencing e differential expression analysis (limma) 	32	28	40	100	4
C2) STATISTICA GENOMICA	 Riduzione della dimensionalità Regressione "lasso" ed "elastica" Path analysis (SEM) Analisi dell'ereditabilità 	32	28	40	100	4



D2) Post-GWAS	 Polygenic risk score e validazione incrociata (cross-validation) Metanalisi di studi GWA Randomizzazione Mendeliana Metodi per l'integrazione di dati omics 	32	28	40	100	4
E2) MACHINE LEARNING (ML)	 Introduzione a ML Unsupervised Learning Supervised Learning Deep Learning in ambito genomico 	32	28	40	100	4
Totale ore parziale II anno 160 140 200		500	20			
Tirocinio-Stage II anno					1000	40
Totale ore/CFU					1500	60

Totale ore I+II anno	320	280	400	1000	40
Tirocinio-Stage I+II anno				2000	80
Prova finale					
Totale ore/CFU		•	•	3000	120

Attività didattica complementare

Verranno proposti durante l'anno seminari di argomenti di interesse per gli iscritti al master tenuti da docenti italiani e stranieri, tra cui: Introduzione all'utilizzo di GitHub, inferenza causale in medicina e genomica, principi di analisi Bayesiana, network analysis.

ART. 4 - VALUTAZIONE DELL'APPRENDIMENTO IN ITINERE

Verrà effettuata sulla base di verifiche del profitto per ogni anno come di seguito indicato:

- Le verifiche di profitto del primo anno sono due. La prima verterà sui contenuti dei corsi A1 e B1 la seconda sul contenuto del corso D1 ed E1. Le prove consisteranno in un esame con l'utilizzo del software appreso durante i corsi.
- Le verifiche di profitto del secondo anno sono due. La prima verterà sul contenuto del corso B2, la seconda sul contenuti dei corso C2 e D2. Le prove consisteranno in un esame con l'utilizzo del software appreso durante i corsi.

ART. 5 - PROVA FINALE E CONSEGUIMENTO DEL TITOLO

A conclusione del Master, ai partecipanti che abbiano svolto tutte le attività ed ottemperato agli obblighi previsti, previo il superamento delle verifiche dei due anni e dell'esame finale verrà rilasciato il Diploma di Master Universitario di Il livello in "Genomic Data Science".

L'esame finale consisterà nella discussione di una tesi sperimentale o trattazione di un tema di rilevante interesse relativa al progetto svolto durante il tirocinio.

ART. 6 - DOCENTI

Gli insegnamenti del Master Universitario saranno tenuti da Docenti dell'Università degli Studi di Pavia, da Docenti di altri Atenei nonché da Esperti esterni altamente qualificati.

ART. 7 - REQUISITI DI AMMISSIONE

Il Master è rivolto a chi abbia conseguito il:

1. diploma di laurea magistrale ai sensi del D.M. 270/2004, in una delle seguenti classi:



LM-41 Medicina e chirurgia

Servizio Sanità e Post laurea

LM-6 Biologia	LM-42 Medicina veterinaria
LM-7 Biologie agrarie	LM-44 Modellistica matematico-fisica per l'ingegneria
LM-8 Biotecnologie industriali	LM-46 Odontoiatria e protesi dentaria
LM-9 Biotecnologie mediche, veterinarie	LM-67 Scienze e tecniche delle attività motorie preventive
e farmaceutiche	e adattate
LM 11 Conservazione restauro beni	LM-54 Scienze chimiche
culturali	LM-60 Scienze della natura
LM-13 Farmacia e farmacia industriale	LM-61 Scienze della nutrizione umana
LM 16 Finanza	LM-53 Scienza e ingegneria dei materiali
LM-17 Fisica	LM-69 Scienze e tecnologie agrarie
LM-18 Informatica	LM-70 Scienze e tecnologie alimentari
LM-21 Ingegneria biomedica	LM-71 Scienze e tecnologie della chimica industriale
LM 22 Ingegneria Clinica	LM-75 Scienze e tecnologie per l'ambiente e il territorio
LM 23 Ingegneria Civile	LM-77 Scienze economico-aziendali
LM 32 Ingegneria informatica	LM-82 Scienze statistiche
LM-40 Matematica	LM-83 Scienze statistiche attuariali e finanziarie

2. diploma di laurea specialistica ai sensi del D.M. 509/99, in una delle seguenti classi:

6/S Biologia	50/S Modellistica matematico-fisica per l'ingegneria		
7/S Biotecnologie agrarie	61/S Scienza e ingegneria dei materiali		
8/S Biotecnologie industriali	69/S Scienze della nutrizione umana		
14/S Farmacia e farmacia	77/S Scienze e tecnologie agrarie		
industriale	78/S Scienze e tecnologie agroalimentari		
19/S Finanza	81/S Scienze e tecnologie della chimica industriale		
20/S Fisica	82/S Scienze e tecnologie per l'ambiente e il territorio		
23/S Informatica	84/S Scienze economico-aziendali		
26/S Ingegneria biomedica	90/S Statistica demografica e sociale		
27/S Ingegneria chimica	91/S Statistica economica, finanziaria ed attuariale		
28/S Ingegneria civile	92/S Statistica per la ricerca sperimentale		
35/S Ingegneria informatica	9/S Biotecnologie mediche, veterinarie e farmaceutiche		
45/S Matematica	12/S Conservazione dei beni scientifici e della civiltà industriale		
46/S Medicina e chirurgia	48/S Metodi per l'analisi valutativa dei sistemi complessi		
47/S Medicina veterinaria	76/S Scienze e tecniche delle attività motorie preventive ed		
62/S Scienze chimiche	adattate		
64/S Scienze dell'economia	52/S Odontoiatria e protesi dentaria		
68/S Scienze della natura			

3. diploma di laurea conseguito ai sensi degli ordinamenti previgenti in:

Biotecnologie agro-industriali	Ingegneria elettronica
Biotecnologie	Ingegneria informatica
Chimica	Ingegneria medica
Chimica Industriale	Matematica
Conservazione dei beni culturali	Medicina e Chirurgia
Discipline economiche e sociali	Medicina veterinaria
Farmacia	Odontoiatria e protesi dentaria
Fisica	Scienze biologiche
Informatica	Scienze della programmazione sanitaria
Ingegneria biomedica	Scienze e tecnologie alimentari
Ingegneria chimica	Scienze economiche, statistiche e sociali
CTF (Chimica e Tecnologie/Tecnologia	Statistica



Farmaceutiche)	
----------------	--

Il numero massimo degli iscritti è pari a 25 unità.

Il numero minimo per attivare il corso è di 8 iscritti.

Il Collegio docenti potrà altresì valutare se sussistano le condizioni per ampliare il suddetto contingente di posti.

Nel caso in cui il numero di aspiranti sia superiore a quello massimo previsto, verrà effettuata, da parte di una Commissione composta dal Coordinatore e da due docenti del Master, una **selezione** e formulata una graduatoria di merito, espressa in centesimi, determinata sulla base dei seguenti criteri di valutazione.

- Fino ad un massimo di punti 40 punti per il voto di laurea, così determinato: (voto di laurea × 40)/110. La lode non dà adito a punteggio.
- 2. Fino ad un massimo di 40 punti per i seguenti esami sostenuti nel corso della carriera universitaria:
 - 8 punti per l'esame di STATISTICA o MATEMATICA o affini
 - 8 punti per l'esame di GENETICA o affini
 - 8 punti per l'esame di INFORMATICA/BIOINFORMATICA o affini
 - 8 punti per l'esame di BIOINGEGNERIA o affini
 - 8 punti per l'esame di BIOTECNOLOGIE o FARMACOLOGIA o affini
- 3. fino ad un massimo di 20 punti per ogni altro eventuale titolo pertinente, così ripartiti:
 - Tesi pertinente fino a 7 punti
 - Scuola di specializzazione pertinente 2 punti
 - Master pertinente 2 punti per ciascun master
 - Dottorato di ricerca pertinente fino a 6 punti
 - Borsa o assegno di ricerca pertinenti fino a 3 punti (1 punto per anno)
 - Attività di ricerca pertinente fino a 3 punti (1 punto per anno)

In caso di parità di punteggio in graduatoria prevale il candidato anagraficamente più giovane. In caso di rinuncia di uno o più candidati, i posti resisi disponibili saranno messi a disposizione dei candidati secondo la graduatoria di merito, fino ad esaurimento dei posti stessi.

ART. 8 - SCADENZA PROCEDURA ON-LINE DI ISCRIZIONE AL CORSO

I candidati devono completare la procedura di ammissione descritta dal bando a decorrere dall' 8 novembre 2019 ed entro il termine del 15 gennaio 2020.

I requisiti richiesti dal bando e allegato devono essere posseduti entro la scadenza prevista per le iscrizioni.

ART. 9 - ALLEGATI ALLA PROCEDURA ON-LINE DI ISCRIZIONE AL CORSO

I candidati devono allegare durante la procedura on line di iscrizione al master:

- 1. **il curriculum vitae** completo dell'indicazione dei requisiti richiesti per l'ammissione e per l'eventuale selezione
- 2. **l'abstract di massimo n°2 pagine** (in caso di tesi pertinente che si voglia sottoporre per la valutazione)
- 3. la dichiarazione sostitutiva di certificazione/dichiarazione sostitutiva di atto di notorietà relativa a quei requisiti richiesti per l'ammissione e per l'eventuale selezione, che non possono essere dichiarati nella procedura on-line, utilizzando esclusivamente il modulo in coda a questo allegato

ART. 10 – TASSE E CONTRIBUTI Immatricolazione:



L'iscritto al Master dovrà versare per l'a.a. 2019/2020 la somma di € 2.800,00 comprensiva di: € 16,00 (imposta di bollo) e € 142,00 ("Spese di segreteria"). Tale importo si versa in un'unica rata all'atto dell'immatricolazione.

Enti o Soggetti esterni nazionali o internazionali potranno contribuire al funzionamento del Master mediante l'erogazione di contributi finalizzati alla copertura totale o parziale della quota di iscrizione. In tal caso i candidati saranno selezionati sulla base di criteri stabiliti dal Collegio dei Docenti e pubblicati sul sito della Segreteria Organizzativa.

Prova finale:

Per essere ammessi alla prova finale i candidati devono presentare apposita domanda di ammissione in marca da bollo da € 16,00 ed effettuare il versamento di € 100,00¹ (di cui € 16,00 quale imposta di bollo sulla pergamena assolta in modo virtuale) quale contributo per il rilascio della pergamena.

ART. 11 - SITO WEB E SEGRETERIA ORGANIZZATIVA

Qualsiasi comunicazione ai candidati verrà resa nota mediante pubblicazione al seguente sito web: http://ssnc.unipv.it/msmg

Per informazioni relative all'organizzazione del corso:

SEGRETERIA ORGANIZZATIVA

Dipartimento di Scienze del sistema nervoso e del comportamento Via Forlanini 6 – 27100 Pavia Dr.ssa Gianfranca Corbellini - T 0382 987526 E dbbs.master@unipv.it

¹ Si fa presente che l'importo potrebbe essere aggiornato con delibera del Consiglio di Amministrazione in data successiva alla pubblicazione del presente bando.



DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE

(Art. 46 D.P.R. 28 dicembre 2000 n° 445)

MASTER GENOMIC DATA SCIENCE

II/La sottoscritto/a	CF
nato/a a	ilil
mendace e consapevole di deca	a sulle responsabilità penali in cui può incorrere in caso di dichiarazione idere dai benefici conseguenti al provvedimento emanato sulla base della on veritiera (artt. 75 e 76 D.P.R. 28 dicembre 2000 n° 445), DICHIARA
di aver riportato la seguente	votazione media degli esami sostenuti nella carriera universitaria:
(il voto m	nedio dovrà essere dichiarato con due decimali)
di aver superato i seguenti esam	ni di profitto attinenti le tematiche riportate nell'art. 7:
Data:	Firma: